



植物科学研究センター機能開発研究グループ研究員

花田

耕介

そこで、遺伝子を欠損させた変異体で多数の代謝産物量を測定したデータを用いて、壊滅的な影

響を及ぼす機能が、新しい機能を獲得する変異源というよりもむしろ、生物の頑健性に強く貢献しているといえる。

今までの研究では、遺伝子の重複は、新しい機能を獲得する変異源として多くの遺伝子機能を理解するツール開発にも貢献する期待される。

地球上に存在する現在の生物種は、生物多様化の過程である進化の結果そのものと言える。分子レベルの各現象にも、進化過程が存在している。

研究グループが中心に行っている植物種（シロイヌナズナ）では、全塩基配列の決定に始まり、全遺伝子のさまざまな条件での発現情報の構築、各遺伝子を過剰発現および欠損させた際の表現型探

索など、網羅的な分子レベルのデータが大量に蓄積されている。これらのデータをなるべく有効に

使う、分子レベルでの進化機構を解明することを目的に研究を推進している。

すでにさまざまの生物でゲノムが決定され、多数の重複遺伝子（コピー遺伝子）がゲノムに存在していること、遺伝子が

研究グループは、シロイヌナズナの重複した二

つの遺伝子それぞれを欠損した時に生じる形態変化の情報を利用し、重複遺伝子間での発現個所と

たんばく質の違いを調べた。

その結果、重複遺伝子間で全く別の形態変化を示す（形態分離が大きいほど、発現個所との

個々の遺伝子の推測可能

分子レベルで進化理解

創研究集団

理研の最前線

▶▶179

重複すると、どちらかの重複遺伝子には突然変異が蓄積しやすくなることが分かってきた。その結果、元の機能とは異なる新しい機能を持つた。

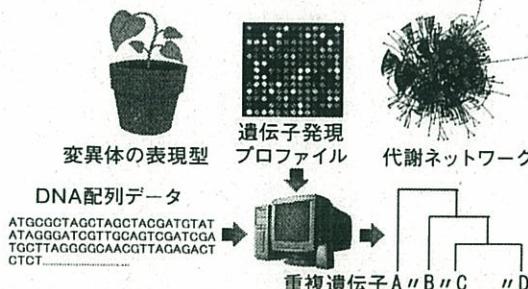
その結果、重複遺伝子が現れ、この新しく現れた機能が、生物進化にとって大きな原動力になると考えられている。

たんばく質の違いを調べた。

その結果、重複遺伝子の間に分け、どちらの機能が、重複遺伝子によって冗長化されているかを調べた。その結果、壊滅的な影響を及ぼす機能は、重複遺伝子と同程度の違いしか持つていないことなどが分かった。つまり、ゲノムに存在する多くの重複遺伝子間では、形態分離を起こすほどには機能が多様化していないことを示している。

ここで、遺伝子を欠損させた変異体で多数の代謝産物量を測定したデータを用いて、壊滅的な影響を及ぼす機能が、新しい機能を獲得する変異源というよりもむしろ、生物の頑健性に強く貢献しているといえる。

大量なシロイヌナズナの分子データ



今までの研究では、遺伝子の重複は、新しい機能を獲得する変異源として多くの遺伝子機能を理解するツール開発にも貢献する期待される。